*ФИЗИОЛОГИЯ РАСТЕНИЙ 2023, V. 70 , № 1*

**ДОПОЛНИТЕЛЬНЫЕ МАТЕРИАЛЫ**

***Транс*-фактор PTF1 участвует в ответе на засоление, но не регулирует экспрессию**

**гена *psbD* у *Arabidopsis thaliana***

**А. А. Андреева*а,*, И. А. Бычков*а,*, Н. В. Кудрякова*а,* \*, В. В. Кузнецов*а***

***а,****Федеральное государственное бюджетное учреждение науки*

*Институт физиологии растений им. К.А. Тимирязева Российской академии наук, Москва, Россия*

*\*e-*[*mail: nvkudryakova@mail.ru*](mailto:nvkudryakova@mail.ru)

**Таблица 1.** Последовательности праймеров, использованных для ПЦР в режиме

реального времени

*PP2A*

At3g25800

F

CTGATCTCAAGAGCGCATCA

R

TCTAGGTGCTGGATCGAATTG

*UBQ10*

At5g53300

F

GCGTCTTCGTGGTGGTTTCTAA

R

GAAAGAGATAACAGGAACGGAAACA

*psbD*

ArthCp017

F

GGA TGA CTG GTT ACG GAG GG

R

GGT TGT ACC TGT GAA CCA ACC

*psbD BLRP*

ArthCp017

F

GGA AAT CCG TCG ATA TCT CT

R

CTC TCT TTC TCT AGG CAG GA

*rbcL*

ArthCp030

F

CGG GTA CAT GCG AAG AAA TGA

R

TCT CGG TCA AAG CAG GCA TA

*psbA*

ArthCp002

F

CGG TGC CAT TAT TCC TAC TTC T

R

CTT GCC CGA ATC TGT AAC CT

*rpoB*

ArthCp014

F

ATG AGC AAC ACC AAA CCC CT

R

GGG TAG GCG AAA TGG AGG TT

*clpP*

ArthCp048

F

CAT TCC AGA TAT TAC CCA TCC A

R

GCC AAG AGG TTG ATA CCG AA

*accD*

ArthCp031

F

GCT ACC AAT CAA TGT TTA CCT C

R

GAT TGA TAA TCA CAT AAA ACC G

*CAB2*

AT1G29920

F

TCA AGT TTG GAG AGG CAG TTT

R

GTA ACC TTC AAC GGC TCC CAT

*LHCB2*

AT3G27690

F

CCA ACG ATC TCC TCC GCA AA

R

AGA CTT GAC GGT ACG ACG CA

*RPOTp*

AT2G24120

F

TTG CTG CTG CTT GCT ATT CTG C

R

GCA CAA TCA CCA AGC CAA CT

*RPOTmp*

AT5G15700

F

CGT TTC CTC ATT TAG ACT TTC CTC C

R

CCT TCT CTC TGT CTG CGT CTC TGT

*RAB18*

AT5G66400

F

TCGCATTCGGTCGTTGTATTGT

R

AGTAAACAACACACATCGCAGGA

*RD29A*

AT5G52310

F

AGGAACCACCACTCAACACAC

R

GCTCGTCATCATCATCATCTTC

*TCP 13*

*(PTF1)*

*AT3G02150*

F

AAA CCG AAG TCA GAG CCA CC

R

TGC TGT GAC GGT CTT TGC CT

*COR15*

AT2G42540

F

AAC GAG GCC ACA AAG AAA GC

R

CAG CTT CTT TAC CCA ATG TAT CTG C

*HAB1*

AT1G72770

F

TAC GAG AAG CGG GTC TTC CA

R

TCA GAG CCT GCA TCA ACA ACT

*Abi1*

AT4G26080

F

CGGCAAAACTGCACTTCCATT

R

CACGAGCTCCATTCCACTGAA

*Abi2*

AT5G57050

F

CTCGCAATGTCAAGATCCATTGGC

R

TTACTCGCCGCACTGAAGTCAC

*ABA1(ZEP)*

AT5G67030

F

TAGGTGTTGGGCTTGGTCC

R

CAATCGTCGCCGTGTGGAA

SOS3

AT5G24270

ATGGGCTGCTCTGTATCGAAG

TCTACCGTGAATGGCGTGAC

HKT1

At4G10310

TCAGTGCATATGGAAACGTTGG

CAGCCACCATCGCTGATG

CBF1

AT4G25490

GCATGTCTCAACTTCGCTGA

ATCGTCTCCTCCATGTCCAG