

УДК 597.553.1:575.8

ГЕНЕТИЧЕСКИЕ ОТНОШЕНИЯ ОЗЁРНОЙ И МОРСКОЙ ФОРМ ТИХООКЕАНСКОЙ СЕЛЬДИ *CLUPEA PALLASII*[#]

© 2019 г. С. Ю. Орлова^{1, *}, Д. С. Курносов², Е. А. Чикурова^{1, 3}, Д. М. Щепетов^{1, 4}

¹Всероссийский научно-исследовательский институт рыбного хозяйства и океанографии – ВНИРО, Москва, Россия

²Тихоокеанский филиал Всероссийского научно-исследовательского института рыбного хозяйства и океанографии – ТИНРО, Владивосток, Россия

³Институт проблем экологии и эволюции РАН – ИПЭЭ, Москва, Россия

⁴Институт биологии развития РАН – ИБР, Москва, Россия

*E-mail: kordicheva@rambler.ru

Поступила в редакцию 29.05.2019 г.

После доработки 11.06.2019 г.

Принята к публикации 14.06.2019 г.

Изучен полиморфизм вариабильного фрагмента контрольного региона мтДНК (D-loop, 373 п.н.) и четырёх микросателлитных локусов у 683 особей тихоокеанской сельди *Clupea pallasii* из разных точек азиатской части ареала. Показано, что озёрные формы тихоокеанской сельди из трёх озёр Сахалина (Айнское) и Камчатки (Вилуй и Нерпичье) значительно дивергировали от морской формы по данным маркеров мтДНК и яДНК. Обнаружены генетические различия как между формами разных озёр ($F_{ST} = 0.034–0.066$), так и между озёрными и морскими формами ($F_{ST} = 0.004–0.055$). Уровень генетической дифференциации между озёрными формами в большинстве случаев на порядок выше, чем между выборками морских форм, что можно объяснить эффектом основателя. Образование озёрных форм происходило вместе с геологическим формированием самих озёр.

Ключевые слова: тихоокеанская сельдь *Clupea pallasii*, озёрная форма, контрольный регион мтДНК, D-loop, микросателлитные маркеры.

DOI: 10.1134/S0042875219060080

[#] Полностью статья опубликована в английской версии журнала.