

УДК 597.08

ТАКСОНОМИЧЕСКИЙ СТАТУС И МОЛЕКУЛЯРНАЯ СИСТЕМАТИКА ЭНДЕМИЧНОГО ВИДА *HERKLOTSICHTHYS LOSSEI* (CLUPEIDAE) ИЗ ПЕРСИДСКОГО ЗАЛИВА: СВИДЕТЕЛЬСТВО НЕМОНОФИЛЕТИЧНОСТИ РОДА[#]

© 2020 г. Л. Пуррафаи Дизадж¹, Х. Р. Эсмаэили¹, *, Т. Валинассаб², А. Саларпоури³

¹Университет Шираз, Шираз, Иран

²Иранский научно-исследовательский рыбохозяйственный институт, Тегеран, Иран

³Организация сельскохозяйственных исследований, образования и распространения знаний,
Центр экологических исследований Персидского залива и Оманского моря, Бендер-Аббас, Иран

*E-mail: hresmaeili@shirazu.ac.ir

Поступила в редакцию 19.08.2019 г.

После доработки 16.11.2019 г.

Принята к публикации 05.12.2019 г.

Эндемичный вид сельди Персидского залива *Herklotsichthys lossei* имеет сходные характеристики с другими представителями рода, особенно с *H. punctatus*, что затрудняет его идентификацию. Свежесобранные образцы из типового местообитания *H. lossei* морфологически относятся к *H. lossei*, описанному Вонгратаной и имеющему тёмное пятно на спинном плавнике и небольшие тёмные пятна на боку. Однако весь изученный материал представлен особями, имеющими ряд чёрных пятен вдоль задней стороны и с обеих сторон основания спинного плавника, которые не были упомянуты Вонгратаной и не обнаружены в типовом материале, депонированном в Музее естественной истории (Лондон). Основываясь на имеющихся молекулярных данных (*COI* мтДНК) для шести видов *Herklotsichthys*, можно заключить, что данный род не является монофилетичным. *H. dispilonotus*, *H. punctatus* и *H. lossei* образуют обособленную линию от других родственных видов, включая виды того же рода *H. quadrimaculatus*, *H. lippa* и *H. spilurus*, а также несколько филогенетически более отдаленные роды *Sardinella*, *Harengula*, *Amblygaster*, *Nematalosa*, *Anodontostoma*, *Alosa*, *Clupea* и *Clupeonella*. Такая ситуация усложняет определение таксономического статуса родов семейства Clupeidae, особенно *Herklotsichthys*. Поскольку *H. dispilonotus*, типовой вид рода *Herklotsichthys*, кластеризуется вместе с *H. lossei* и *H. punctatus*, эти три вида необходимо оставить в составе рода, а три других — *H. quadrimaculatus*, *H. lippa* и *H. spilurus* — считать представителями других родов.

Ключевые слова: ДНК-таксономия, последовательности мтДНК гена *COI*, Индо-Тихоокеанский регион, эндемизм.

DOI: 10.31857/S004287522003008X

[#] Полностью статья опубликована в английской версии журнала.