

УДК 597.562.591.52

## ГИПОТЕЗА РАССЕЛЕНИЯ АНТИМОР (*ANTIMORA* SPP., MORIDAE) В МИРОВОМ ОКЕАНЕ ПО ДАННЫМ СОВРЕМЕННОГО РАСПРЕДЕЛЕНИЯ, ГЕНЕТИЧЕСКОГО АНАЛИЗА И ИСКОПАЕМЫХ НАХОДОК<sup>#</sup>

© 2020 г. А. М. Орлов<sup>1, 2, 3, 4, 5, \*</sup>, А. Ф. Банников<sup>6</sup>, С. Ю. Орлова<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Всероссийский научно-исследовательский институт рыбного хозяйства и океанографии – ВНИРО, Москва, Россия

<sup>2</sup>Институт проблем экологии и эволюции РАН – ИПЭЭ РАН, Москва, Россия

<sup>3</sup>Дагестанский государственный университет – ДГУ, Республика Дагестан, Махачкала, Россия

<sup>4</sup>Томский государственный университет, Томск, Россия

<sup>5</sup>Прикаспийский институт биологических ресурсов Дагестанского научного центра РАН – ПИБР ДНЦ РАН, Республика Дагестан, Махачкала, Россия

<sup>6</sup>Палеонтологический институт РАН – ПИН РАН, Москва, Россия

\*E-mail: orlov@vniro.ru

Поступила в редакцию 08.10.2019 г.

После доработки 11.11.2019 г.

Принята к публикации 21.11.2019 г.

На основании анализа современного распределения, результатов молекулярно-генетического исследования разнообразия участка митохондриальной ДНК (первой субъединицы гена цитохромоксидазы *COI*) в выборках клюворылой *Antimora rostrata* и мелкочешуйной *A. microlepis* антимор, а также обобщения данных литературы по ископаемым находкам моровых рыб (Moridae) представлена гипотетическая схема расселения рассматриваемых видов в Мировом океане.

**Ключевые слова:** антиморы *Antimora* spp., распределение, молекулярно-генетический анализ, общие гаплотипы, ископаемые находки, расселение, Мировой океан.

**DOI:** 10.31857/S0042875220030133

<sup>#</sup> Полностью статья опубликована в английской версии журнала.