

LEUCOSPORIDIUM EGOROVIORUM F.A., SP. NOV., НОВЫЙ ВИД ДРОЖЖЕВЫХ ГРИБОВ, ВЫДЕЛЕННЫЙ ИЗ КАБАЧКОВ

© 2023 г. А. В. Качалкин^{a, b, *}, А. М. Глушакова^{a, c}, М. А. Томашевская^b

^aМосковский государственный университет им. М.В. Ломоносова, Москва, 119991 Россия

^bИнститут биохимии и физиологии микроорганизмов им. Г.К. Скрыбина РАН, Пущино, 142290 Россия

^cНИИ вакцин и сывороток им. И.И. Мечникова, Москва, 105064 Россия

*e-mail: kachalkin_a@mail.ru

Поступила в редакцию 17.08.2022 г.

После доработки 26.08.2022 г.

Принята к публикации 26.08.2022 г.

Новый анаморфный вид базидиомицетовых дрожжей *Leucosporidium egoroviorum* f.a., sp. nov. выделен в качестве эндофита из плодов *Cucurbita pepo* subsp. *pepo* (кабачок). По своим генетическим, физиологическим и морфологическим характеристикам новый вид принципиально отличается от близкородственных видов *L. fellii*, *L. intermedium* и *L. krinense*. Голотип нового вида – КБП Y-6804T, сохранен в метаболически неактивном состоянии, культуры изотипа: ВКМ Y-3065, DSM 113574 и CBS 17590; регистрация таксона в базе MocoBank MB 842805.

Ключевые слова: дрожжи, таксономия, эндофиты, *Leucosporidium*, *Leucosporidiales*, *Microbotryomycetes*, *Pucciniomycotina*

DOI: 10.31857/S0026365622600638, **EDN:** NMDAEF

В ходе изучения дрожжевого населения внутренних частей плодов сельскохозяйственных культур отечественного и импортного производства было обнаружено значительное количество эвритопных видов дрожжей с эндофитным образом жизни, развитие которых во внутренних тканях идет бессимптомно (Качалкин и соавт., 2021; Kachalkin et al., 2021). При выполнении исследования также были выделены и описаны новые виды, которые к настоящему времени известны только как обитатели сельскохозяйственных плодов: *Cyberlindnera dauci*, *Metschnikowia taurica*, *Vishniacozyma phoenicis* и *Yamadazyma cocois* (Crous et al., 2020a, 2020b, 2021; Maksimova et al., 2020). Помимо этого, обнаружен широко распространенный в плодах вид *Kwoniella endophytica*, находки которого в других местообитаниях также неизвестны (Crous et al., 2018).

Среди известных ранее видов дрожжей, из плодов *Cucurbita pepo* subsp. *pepo* (кабачок) были выделены непигментированные штаммы одноклеточных базидиомицетовых дрожжевых грибов, не продуцирующие крахмалоподобные соединения и не ассимилирующие инозит, с максимальной температурой роста 26°C. Видовая идентификация культур на основании нуклеотидных последовательностей ITS-региона рДНК показала, что они относятся к неизвестному ранее виду рода *Leucosporidium*.

Род *Leucosporidium* был описан при исследовании штаммов антарктических гетеробазидиомицетов (Fell et al., 1969). К настоящему времени к роду *Leucosporidium* относят не только телеоморфные формы дрожжей, но и родственные им анаморфы. Всего в роде 12 видов, которые, в большинстве своем, являются психротолерантными или психрофильными организмами и обнаруживаются в почве, на растительном материале и в морской среде, в высоких и умеренных широтах (Yurkov et al., 2012; Laich et al., 2014; de García et al., 2015; Mašínová et al., 2017; Crous et al., 2019). Дрожжи рода *Leucosporidium* являются биотехнологически значимыми микроорганизмами, как источник внеклеточных низкотемпературных ферментов, а также они обладают способностью к биодegradации фенольных соединений (de García et al., 2015).

В данной работе публикуется описание нового вида рода *Leucosporidium*.

МАТЕРИАЛЫ И МЕТОДЫ ИССЛЕДОВАНИЙ

В сентябре 2021 г. были исследованы шесть кабачков из Владимирской области в период их зрелости и не имеющие нарушения покровных тканей. Поверхность плодов с целостностью покровных тканей, перед посевом обрабатывали 70% этанолом и 2% раствором гипохлорита натрия с последую-

щим удалением остатков растворов стерильной дистиллированной водой (Gai et al., 2009). После снятия покровных тканей стерильным скальпелем, вырезали участки внутренних тканей, измельчали и заливали стерильной водой в соотношении 1 : 10. Полученные суспензии обрабатывали на вортексе MultiReax (“Heidolph”, Германия) в течение 15 мин на скорости 2000 об./мин и высевали в трехкратной повторности на агаризованную глюкозо-пептонно-дрожжевую среду (ГРПА) с хлорамфениколом. Чашки инкубировали при 22–24°C в течение недели. Выросшие дрожжевые колонии учитывали дифференцированно на основании макро- и микроморфологических характеристик, представители морфогрупп были выделены в чистую культуру для видовой идентификации. Видовую идентификацию дрожжевых грибов проводили на основе анализа нуклеотидной последовательности ITS-региона рДНК. Выделение ДНК и постановку ПЦР проводили по ранее описанной методике (Glushakova, Kachalkin, 2017). Секвенирование ДНК осуществляли с помощью набора реактивов Big Dye Terminator V3.1 Cycle Sequencing Kit (“Applied Biosystems”, США) с последующим анализом продуктов реакции на секвенаторе Applied Biosystems 3130xl Genetic Analyzer в ЗАО “Евроген” (Москва). Для секвенирования был использован праймер ITS5 (5'-GGA AGT AAA AGT CGT AAC AAG G). Идентификацию дрожжей на основании полученных результатов секвенирования проводили, используя данные генбанка NCBI (www.ncbi.nlm.nih.gov) и базы данных MycoID (www.mycobank.org).

Для расширенной генетической характеристики нового вида дрожжевых грибов были исследованы последовательности других генов, а именно 18S (SSU) и D1/D3 домены 26S (LSU) рРНК, *TEF1*, *RPB1* и *RPB2*. Амплификация и секвенирование генов выполнялись с использованием следующих праймеров: LR5, NS1 и NS8, *RPB1*-Af и *RPB1*-Cr, *RPB2*-7cR и *RPB2*-5F, EF-983f и EF-2218r (подробнее данные указаны в работе Kachalkin et al., 2021). Сборку нуклеотидных последовательностей осуществляли с помощью программного обеспечения DNA Baser Sequence Assembler 4 (“Heracle BioSoft S.R.L.”). Для построения филогенетического дерева выравнивание нуклеотидных последовательностей для типовых культур осуществляли с использованием онлайн-версии алгоритма MAFFT (Kato et al., 2019). Филогенетическое дерево для выравниваемых последовательностей ITS и D1/D2 регионов рДНК было построено в программе MEGA6 (Tamura et al., 2013) с использованием метода максимального правдоподобия на основе модели GTR с гамма-распределением инвариантных сайтов для 1000 альтернативных построений.

Штаммы нового вида были морфологически и физиологически охарактеризованы стандартны-

ми методами на твердых и жидких средах (Kurtzman et al., 2011).

РЕЗУЛЬТАТЫ И ОБСУЖДЕНИЕ

В ходе проведенного исследования дрожжевые грибы были обнаружены во всех исследованных образцах мякоти кабачков, их средняя численность составила 1.3×10^3 КОЕ/г. Проведенная видовая идентификация выделенных из кабачков штаммов дрожжей показала достаточно высокое разнообразие обнаруживаемых внутри дрожжей. Всего было выделено и идентифицировано 13 видов: *Aureobasidium pullulans* (относительное обилие – 17.26%), *Barnettozyma californica* (0.13%), *Candida parapsilosis* (6.12%), *C. sake* (2.41%), *Cystofilobasidium infirmominatum* (9.24%), *Debaryomyces hansenii* (1.17%), *Hanseniopsis uvarum* (5.04%), *Metschnikowia pulcherrima* (7.67%), *Papiliotrema flavescens* (0.24%), *Rhodotorula babjevae* (1.21%), *Rh. mucilaginoso* (24.83%), *Vishniacozyma victoriae* (1.21%), а также дрожжи рода *Leucosporidium* (23.47%). Отдельно стоит отметить, что обнаруженные внутри мякоти дрожжи являются, в большинстве своем, типичными обитателями почвенно-растительных субстратов, а также эвритопными видами, ранее часто обнаруживаемыми и в других сельскохозяйственных плодах (Чернов и соавт., 2013; Kachalkin et al., 2021). Вероятнее всего, как было показано ранее, для многих дрожжевых грибов не составляет труда проникать во внутренние ткани плодов из внешней среды (Infante et al., 2012). Именно этим можно объяснить и находку в качестве эндофитов типичного почвенного вида *B. californica*, а также синантропного контаминанта почв – *Candida parapsilosis*.

Среди доминирующих видов в мякоти кабачков были обнаружены дрожжи рода *Leucosporidium*. Как было отмечено ранее, дрожжи данного рода являются психротолерантными или психрофильными организмами, которые обнаруживаются часто в почве и в разлагающемся растительном материале. Ранее нами были сделаны находки другого вида данного рода – *L. scottii* – в качестве минорного компонента в мякоти яблок, груш и в кизиле из Подмоскovie и в г. Москве (неопубликованные данные). Достаточно высокая доля в сообществе кабачков дрожжей рода *Leucosporidium* позволяет предположить, что именно из почвы эти дрожжи и попали в мякоть исследованных плодов.

Из разных образцов кабачков были выделены и исследованы три штамма рода *Leucosporidium*: КБП Y-6804, КБП Y-6805 и КБП Y-6806 (табл. 1). Для всех культур было проведено секвенирование регионов ITS1-5.8S-ITS2 (ITS регион) и D1/D3 доменов LSU, которое показало конспецифичность исследованных штаммов. Для штамма КБП Y-6804, помимо основных генетических маркеров,

Таблица 1. Информация об исследованных штаммах

Штамм	Номера в других коллекциях	Нуклеотидные последовательности				
		ITS-LSU	SSU	<i>TEF1</i>	<i>RPB1</i>	<i>RPB2</i>
КБП У-6804Т	ВКМ У-3065 DSM 113574 CBS 17590	OM038460	OM033544	OV309161	OV309162	OV309163
КБП У-6805	ВКМ У-3066	OM038461	—	—	—	—
КБП У-6806	ВКМ У-3067	OM038462	—	—	—	—

были получены нуклеотидные последовательности SSU региона рДНК и генов *TEF1*, *RPB1*, *RPB2*, которые были ранее исследованы для ряда других видов рода (Wang et al., 2015).

Результаты поиска полученных нуклеотидных последовательностей по генбанку NCBI показали, что по ITS-региону наибольшее сходство (93.99%) с видом *L. fellii* (CBS 7287^T, GenBank NR_073276; 30 замен, включая семь делеций), по данным LSU – наибольшее сходство (98.60%) с *L. intermedium* (CBS 11759, GenBank KY108447; 12 замен и одна делеция), по SSU – сходство 99.10% с *L. fellii* (JCM 9887^T, GenBank NG_063541; 15 замен, включая семь делеций), по *TEF1* – сходство 89.65% с *L. fellii* (JCM 9887^T, GenBank KJ707784; 113 замен, включая 18 делеций), по *RPB1* – сходство 80.54% с *L. fellii* (JCM 9887^T, GenBank KJ708030; 65 замен, включая 3 делеции), и по данным *RPB2* – сходство 78.61% с *L. golubevii* (CBS 9651^T, GenBank KJ708185; 151 замена, включая 21 делецию). Таким образом, полученные результаты по сравнению основных и дополнительных генетических маркеров указывают, что исследованные культуры принадлежат к новому виду рода *Leucosporidium* (Vu et al., 2016).

Филогенетическое положение вида *L. egoroviorum* sp. nov. продемонстрировано с использованием филогении на основе нуклеотидных последовательностей ITS и LSU регионов рДНК (Yurkov et al., 2012; Laich et al., 2014; Mašínová et al., 2017; Crous et al., 2019). Полученные результаты показали, что штаммы нового вида формируют хорошо поддержанный клад вместе телеоморфными видами *L. fellii* и *L. intermedium*, а также с анаморфным видом *L. krtinense* (рис. 1).

Штаммы нового вида были морфологически и физиологически охарактеризованы с помощью стандартных методов на твердой и жидкой средах. Проведенные тесты на скрещивание на разных средах (глюкозо-пептонный агар – GPYA, солодовый агар – MEA, картофельно-декстрозный агар – PDA, кукурузный агар – CMA) и морфологический агар) в течение трех месяцев при 10 и 22°C не дали никаких результатов. Описание нового вида выполняется на анаморфных культурах с обозначением

forma asexualis (f.a.), согласно опубликованным рекомендациям (Lachance, 2012). В будущем, при обнаружении новых изолятов, возможно, удастся изучить полный жизненный цикл нового вида и описать его совершенную форму.

Новый вид заметно отличается по физиологическим тестам от близкородственных видов рода (табл. 2). На основании физиологических тестов новый вид наиболее близок (7 отличий) к *L. fellii*, а с другими филогенетически близкими видами число отличий значительно больше (по данным Kurtzman et al., 2011; Mašínová et al., 2017).

Несмотря на филогенетическую и физиологическую близость *L. egoroviorum* f.a., sp. nov. к виду *L. fellii*, культуры заметно различаются по форме и размеру клеток. Клетки *L. fellii* вытянутые, сигаровидные, длиной 7–17 мкм (Kurtzman et al., 2011), а у нового вида более короткие, овальные, размером до 9 мкм (рис. 2). Кроме того, отличительной характеристикой нового вида является наличие на некоторых клетках коротких монополярных стебельков-конидиофоров с почкой, схожей с баллистоспорой. Однако тесты на образование баллистоспор, которые формируются у близкородственной культуры *L. intermedium*, показали, что у нового вида почкование идет без отстрела.

Таким образом, на основании генетических, физиологических и морфологических характеристик выделенные штаммы заметно отличаются от других видов рода *Leucosporidium*, что дает основание описать их как новый вид.

Описание нового вида *Leucosporidium egoroviorum* Kachalkin, A.M. Glushakova & M.A. Tomashevskaya, f.a., sp. nov.

Назван в честь двух российских ученых – микробиолога и биохимика Московского государственного университета им. М.В. Ломоносова – Н.С. Егорова (1921–2021) и С.Н. Егорова (1948–2021).

На глюкозо-пептоновом агаре (GPYA) и 5% солодовым агаре (MEA) через 7 сут культивирования при 21°C, штрих цвета слоновой кости, гладкий, полуглянцевый, с ровным краем. Клетки от овальных до эллипсоидных (2.0–5.0 × 4.0–9.0 мкм),

Таблица 2. Отличительные физиологические характеристики *L. egoroviorum* f.a., sp. nov.

	<i>L. egoroviorum</i> f.a., sp. nov.	<i>L. fellii</i>	<i>L. intermedium</i>	<i>L. krtinense</i>
Ассимиляция:				
Инулин	–	–	–	+
Сахароза	–	–	+	+
D-галактоза	–	–	+	+
Трегалоza	+	+	V	+
Мальтоза	+	–	V	+
Мелецитоза	+	–	–	+
Целлобиоза	+	+	+	–
Салицин	+	+	–	–
L-сорбоза	+	+	V	D
L-рамноза	+	+	–	–
D-ксилоза	–	+	–	+
L-арабиноза	–	–	–	+
D-арабиноза	S	+	–	–
D-рибоза	W	–	V	D
Этанол	+	–	+	+
Рибит	W	+	–	+
Молочная кислота	W	–	+	D
D-глюкозамин	W	+	–	–
Нитраты	+	+	–	+
Кадаверин	–	?	+	+
Рост при/с:				
50% глюкозы	+	?	–	?
10% NaCl и 5% глюкозы	+	?	–	W
0.01% циклогексимида	–	+	–	+
0.1% циклогексимида	–	+	–	+
Без витаминов	+	+	+	–
25°C	+	+	–	+
30°C	–	–	–	+

Примечание. D – задержка, S – медленно, V – переменный признак, W – слабо.

Description of *Leucosporidium egoroviorum* Kachalkin, A.M. Glushakova & M.A. Tomashevskaya, f.a., sp. nov.

Named in honour of two Russian scientists, microbiologist and biochemist at the Lomonosov Moscow State University, Nikolay S. Egorov (1921–2021) and Sergey N. Egorov (1948–2021).

On glucose peptone yeast extract agar (GPYA) and 5% malt extract agar (MEA), after 7 d at 21°C, streak is ivory coloured, smooth and semi-glossy, with an entire margin. Cells are subglobose to ellipsoidal (2.0–5.0 × 4.0–9.0 µm), occurring singly, in pairs or in small clusters and short chains, dividing by polar budding, often showing budding on short or elongated monopolar stalk (up to 3.5 µm long). Globose cells may be present in older cultures on GPYA and potato

dextrose agar (PDA). Lipid-like bodies presents in cells. Poorly developed pseudohyphae are rarely formed. Sexual structures, true hyphae and ballistocnidia have not been observed during 3 months at 10 and 21°C in culture (pure cultures and in mating test) grown on GPYA, MEA, PDA, cornmeal agar (CMA) and yeast morphology agar. Glucose is not fermented. Glucose, maltose, cellobiose, trehalose, melezitose, D-arabinose (slow), D-ribose (weak), L-rhamnose, D-glucosamine (weak), ethanol, glycerol, ribitol (weak), D-mannitol, D-glucitol, salicin, DL-lactic acid (weak), succinic acid, citric acid, 2-keto-D-gluconate, 5-keto-D-gluconate, D-glucuronate (weak) and arbutin are assimilated; no growth occurs on galactose, L-sorbose, lactose, sucrose, melibiose, raffinose, inulin, soluble starch, D-xylose, L-arabinose, methanol, erythritol, galactitol, *myo*-inositol, methyl α-D-glu-



Рис. 2. *Leucosporidium egoroviorum* f.a., sp. nov., штамм КБП Y-6804T: дрожжевые клетки на среде MEA (через 7 сут при 21°C). Масштабная линейка – 5 мкм.

coside. Assimilation of nitrogen compounds: positive for ammonium sulphate, potassium nitrate and L-lysine, and negative for cadaverine. Growth on vitamin-free medium, on 50% w/w glucose/yeast extract (0.5%) agar, on MEA with 10% NaCl is positive. Growth with 0.01 and 0.1% cycloheximide is negative. Starch-like compounds are not produced. Diazonium blue B colour and urease reactions are positive. Maximum growth temperature is 26°C.

Typus. Russia, Vladimir oblast, isolated as endophyte from the pulp of marrow squash (*Cucurbita pepo* subsp. *pepo*), Sep. 2021, A.M. Glushakova (holotype КБП Y-6804T, preserved in a metabolically inactive state in the Yeast collection of Department of Soil Biology of Lomonosov Moscow State University (WDCM 1173), isotypes: VKM Y-3065, DSM 113574, and CBS 17590; ITS-D1/D3 domains of LSU nrDNA, SSU, *TEF1*, *RPB1* and *RPB2* sequences GenBank OM038460, OM033544, OV309161, OV309162 and OV309163; MycoBank MB 842805).

БЛАГОДАРНОСТИ

Авторы выражают благодарность др. К. Бенш (Институт грибного биоразнообразия Вестердейк, Утрехт) за корректировку латинского эпитета.

ФИНАНСИРОВАНИЕ РАБОТЫ

Исследование нового вида выполнено при финансовой поддержке Министерства науки и высшего образования Российской Федерации (соглашение № 075-15-2021-1051) и как часть темы государственного задания МГУ (№ 121040800174-6).

СОБЛЮДЕНИЕ ЭТИЧЕСКИХ СТАНДАРТОВ

Статья не содержит результатов исследований с использованием животных в качестве объектов.

КОНФЛИКТ ИНТЕРЕСОВ

Авторы заявляют об отсутствии конфликта интересов.

СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

- Качалкин А.В., Глушакова А.М., Стрелецкий Р.А., Савченко В.Е., Венжик А.С. Эндوفитные дрожжи в плодах сельскохозяйственных культур // 3-й Российский микробиологический конгресс (г. Псков, 26 сентября–1 октября 2021 г.): Материалы конгресса. Псков: ООО Конкорд, 2021. С. 29–30.
- Чернов И.Ю., Глушакова А.М., Качалкин А.В. Аннотированный список видов дрожжей Московского региона // Микология и фитопатология. 2013. Т. 47. С. 103–115.
- Crous P.W., Carnegie A.J., Wingfield M.J., Sharma R., Mughini G. et al. Fungal Planet description sheets: 868–950 // Persoonia. 2019. V. 42. P. 291–473.
- Crous P.W., Cowan D.A., Maggs-Kölling G., Yilmaz N., Larsson E. et al. Fungal Planet description sheets: 1112–1181 // Persoonia. 2020a. V. 45. P. 251–409.
- Crous P.W., Cowan D.A., Maggs-Kölling G., Yilmaz N., Thangavel R. et al. Fungal Planet description sheets: 1182–1283 // Persoonia. 2021. V. 46. P. 313–528.
- Crous P.W., Luangsa-ard J.J., Wingfield M.J., Carnegie A.J., Hernández-Restrepo M. et al. Fungal planet description sheets: 785–867 // Persoonia. 2018. V. 41. P. 238–417.
- Crous P.W., Wingfield M.J., Chooi Y.-H., Gilchrist C.L.M., Lacey E. et al. Fungal Planet description sheets: 1042–1111 // Persoonia. 2020b. V. 44. P. 301–459.
- de García V., Coelho M.A., Maia T.M., Rosa L.H., Vaz A.M. et al. Sex in the cold: taxonomic reorganization of psychrotolerant yeasts in the order *Leucosporidiales* // FEMS Yeast Res. 2015. V. 15. Art. fov019. P. 1–12.
- Fell J.W., Statzell A., Hunter I.L., Phaff H.J. *Leucosporidium* gen. nov. The heterobasidiomycetous stage of several yeasts of the genus *Candida* // Antonie van Leeuwenhoek. 1969. V. 35. P. 433–462.
- Gai C.S., Lacava P.T., Maccheroni W., Jr., Glienke C., Araujo W.L., Miller T.A., Azevedo J.L. Diversity of endophytic yeasts from sweet orange and their localization by scanning electron microscopy // J. Basic Microbiol. 2009. V. 49. P. 441–451.
- Glushakova A.M., Kachalkin A.V. Endophytic yeasts in *Malus domestica* and *Pyrus communis* fruits under anthropogenic impact // Microbiology (Moscow). 2017. V. 86. P. 128–135.
- Infante E., Marquinez X., Moreno G. Tomato peel (*Solanum lycopersicum* L.) colonization by the endophyte yeast *Candida guilliermondii* (Castellani) Langeron et Guerra // Agronomía Colombiana. 2012. V. 30. P. 388–394.
- Kachalkin A.V., Abdullabekova D.A., Magomedova E.S., Yurkov A.M. *Zygorulasporea dagestanica* sp. nov., a novel ascomycetous yeast species associated with the Georgian honeysuckle (*Lonicera iberica* M. Bieb.) // Int. J. Syst. Evol. Microbiol. 2021. V. 71. Art. 004785. P. 1–6.

- Kachalkin A.V., Glushakova A.M., Venzhik A.S.* Presence of clinically significant endophytic yeasts in agricultural crops: monitoring and ecological safety assessment // IOP Conf. Series: Earth and Environmental Science. 2021. V. 723. Art. 042005. P. 1–6.
- Katoh K., Rozewicki J., Yamada K.D.* MAFFT online service: multiple sequence alignment, interactive sequence choice and visualization // Brief Bioinform. 2019. V. 20. P. 1160–1166.
- Kurtzman C.P., Fell J.W., Boekhout T., Roberts V.* Methods for isolation, phenotypic characterization and maintenance of yeasts // The Yeasts: A Taxonomic Study / Eds. Kurtzman C.P., Fell J.W. and Boekhout T. Amsterdam: Elsevier Science, 2011. P. 87–110.
- Kurtzman C.P., Fell J.W., Boekhout T.* (eds.). The Yeasts: A Taxonomic Study, Elsevier, 2011, 5th ed.
- Lachance M.A.* In defense of yeast sexual life cycles: the *forma asexualis*: an informal proposal // Yeast Newsl. 2012. V. 61. P. 24–25.
- Laich F., Chávez R., Vaca I.* *Leucosporidium escuderoi* f.a., sp. nov., a basidiomycetous yeast associated with an Antarctic marine sponge // Antonie van Leeuwenhoek. 2014. V. 105. P. 593–601.
- Maksimova I.A., Glushakova A.M., Thanh V.N., Kachalkin A.V.* *Yamadazyma cocois* f.a., sp. nov., an ascomycetous yeast isolated from coconuts // Int. J. Syst. Evol. Microbiol. 2020. V. 70. P. 3491–3496.
- Mašíňová T., Pontes A., Carvalho C., Sampaio J.P., Baldrian P.* *Libkindia masarykiana* gen. et sp. nov., *Yurkovia mendeliana* gen. et sp. nov. and *Leucosporidium krtinense* f.a. sp. nov., isolated from temperate forest soils // Int. J. Syst. Evol. Microbiol. 2017. V. 67. P. 902–908.
- Tamura K., Stecher G., Peterson D., Filipiński A., Kumar S.* MEGA6: molecular evolutionary genetics analysis version 6.0 // Mol. Biol. Evol. 2013. V. 30. P. 2725–2729.
- Vu D., Groenewald M., Szöke S., Cardinali G., Eberhardt U. et al.* DNA barcoding analysis of more than 9000 yeast isolates contributes to quantitative thresholds for yeast species and genera delimitation // Stud. Mycol. 2016. V. 85. P. 91–105.
- Wang Q.M., Groenewald M., Takashima M., Theelen B., Han P.J. et al.* Phylogeny of yeasts and related filamentous fungi within *Pucciniomycotina* determined from multigene sequence analyses // Stud. Mycol. 2015. V. 81. P. 27–53.
- Yurkov A.M., Schäfer A.M., Begerow D.* *Leucosporidium drummii* sp. nov., a member of the *Microbotryomycetes* isolated from soil // Int. J. Syst. Evol. Microbiol. 2012. V. 62. P. 728–734.

***Leucosporidium egoroviorum* f.a., sp. nov., a New Yeast Species Isolated from Zucchini**

A. V. Kachalkin^{1, 2, *}, A. M. Glushakova^{1, 3}, and M. A. Tomashevskaya²

¹*Moscow State University, Moscow, 119991 Russia*

²*Skryabin Institute of Biochemistry and Physiology of Microorganisms, Russian Academy of Sciences, Pushchino, 142290 Russia*

³*Mechnikov Research Institute of Vaccines and Sera, Moscow, 105064 Russia*

*e-mail: kachalkin_a@mail.ru

Received August 17, 2022; revised August 26, 2022; accepted August 26, 2022

Abstract—*Leucosporidium egoroviorum* f.a., sp. nov., a new anamorphic species of the basidiomycetous yeasts, was isolated as an endophyte from the fruits of *Cucurbita pepo* subsp. *pepo* (zucchini). According to its genetic, physiological, and morphological characteristics, the new species differed significantly from the closely related species *L. fellii*, *L. intermedium*, and *L. krtinense*. The holotype of the new species, KBP Y-6804T, is preserved in a metabolically inactive state; its isotype strains are VKM Y-3065, DSM 113574, and CBS 17590. The MycoBank number is MB 842805.

Keywords: yeasts, taxonomy, endophytes, *Leucosporidium*, *Leucosporidiales*, *Microbotryomycetes*, *Pucciniomycotina*