УДК 547.298.4

N,N'-ДИФЕНИЛДИТИОМАЛОНДИАМИД: ИССЛЕДОВАНИЕ ОСОБЕННОСТЕЙ СТРОЕНИЯ, КИСЛОТНЫХ СВОЙСТВ И ОЦЕНКА БИОЛОГИЧЕСКОЙ АКТИВНОСТИ in silico

© 2021 г. А. Э. Синоцко^{*a*}, А. В. Беспалов^{*a*}, Н. В. Пащевская^{*a*}, В. В. Доценко^{*a,b,**}, Н. А. Аксенов^{*b*}, И. В. Аксенова^{*b*}

^а Кубанский государственный университет, ул. Ставропольская 149, Краснодар, 350040 Россия ^b Северо-Кавказский федеральный университет, Ставрополь, 355009 Россия *e-mail: victor dotsenko @mail.ru

> Поступило в Редакцию 14 августа 2021 г. После доработки 14 августа 2021 г. Принято к печати 18 сентября 2021 г.

Изучены спектральные характеристики дитиомалондианилида (N,N'-дифенилдитиомалондиамида), методом потенциометрического титрования определена константа диссоциации. Квантово-химическими методами на уровне B3LYP-D3BJ/6-311+G(2d,p) проведен расчет молекулярной геометрии и колебательных спектров наиболее устойчивых таутомерных форм дитиомалондианилида. Рассчитаны параметры биодоступности, методом протеин-лигандного докинга спрогнозированы возможные белковые мишени.

Ключевые слова: метиленактивные тиоамиды, дитиомалондианилид, таутомерия, потенциометрическое определение константы диссоциации, расчетная биологическая активность

DOI: 10.31857/S0044460X21110032

Дитиомалондиамиды и, в частности, N,N'-дифенилдитиомалондиамид 1 активно используются в различных областях химии в качестве бидентатных комплексообразующих агентов [1–6], ингибиторов коррозии стали [7], реагентов для экстракции Ag⁺ из хлорид-содержащих водных растворов [8], а также как исходные реагенты для синтеза ряда серосодержащих гетероциклических систем – производных 1,2-дитиола [9–14], тиазола [15, 16], 1,3-дитиина [17–22], [1,2]дитиоло[3,4-*b*]пиридина [23], 1,2,3-тиадиазола [24], тиофена [25, 26], 3,5-диаминопиразола [11, 26, 27] и др. (схема 1).

В то же время, сравнивая N,N'-дифенилдитиомалондиамид 1 с другими метиленактивными тиоамидами (см. обзорные работы [28–32]), можно отметить, что потенциал тиоамида 1 в качестве метиленактивного соединения практически не раскрыт – имеются лишь единичные сведения о взаимодействии дитиомалондианилида 1 с акцепторами Михаэля [23] или активными карбонильными соединениями [26]. Продолжая исследования в области химии метиленактивных тиоамидов, мы остановили свое внимание на N,N'-дифенилдитиомалондиамиде 1 как перспективном доступном метиленактивном соединении для получения ряда гетероциклических систем.

В настоящей работе с использованием экспериментальных и теоретических методов изучены таутомерия и геометрия молекулы дитиомалондианилида, сделано соотнесение экспериментальных и расчетных колебательных спектров, методом потенциометрического титрования впервые экспериментально определено значение р K_a дитиомалондианилида, а также рассчитаны параметры



биодоступности и спрогнозированы возможные протеиновые мишени для молекулы 1.

Известно несколько способов получения дитиомалондианилида 1: соединение получают конденсацией натриевой соли диацетилтиоацетанилида 2 с PhNCS [33], реакцией субсульфида углерода C_3S_2 с анилином в инертном растворителе [34–36], взаимодействием малонанилида с P_4S_{10} [24,37,38] или реагентом Лоуссона [39], восстановлением 3-фениламино-5-фенилимино-1,2-дитиола **3** системой

ЖУРНАЛ ОБЩЕЙ ХИМИИ том 91 № 11 2021

Zn–HCl–AcOH [9], либо реакцией ацетилацетона с PhN=C=S в присутствии алкоголята натрия в EtOH, MeOH или Et₂O [1, 3, 27, 40–43] (схема 2). Последний способ наиболее прост в препаративном отношении и дает максимальные выходы.

Дитиомалондианилид 1 был получен нами по модифицированной методике [43] с выходом 97%. Реакция, очевидно, протекает как последовательность тандемных процессов тиокарбамоилирования–кетонного расщепления (схема 3). Об-



наружено, что использование изопропанола или h-бутанола в качестве растворителей резко снижает выход дитиоамида 1: так, в случае h-бутанола выход составил всего 43%. По нашему мнению, это может быть связано с пространственными затруднениями при протекании кетонного расщепления с более объемным нуклеофилом (*i*-PrO⁻ или BuO⁻), а также с ограниченной смешиваемостью указанных спиртов с водой, что препятствует осаждению продукта при обработке реакционной смеси. Интересно отметить, что попытка очистить дитиомалондианилид обработкой КОН с последующим осаждением кислотой привела к образованию нового соединения, идентифицированного методом спектроскопии ЯМР как 3-фениламино-5-фенилимино-1,2-дитиол **3**.

Строение соединений **1** и **3** подтверждено данными ИК и ЯМР спектроскопии, в том числе и двумерной спектроскопии ЯМР (¹H–¹³C HSQC, ¹H–¹³C HMBC) для дитиомалондианилида **1** (см. Дополнительные материалы). Наблюдаемые корреляции представлены в табл. 1.

Таблица 1. Корреляции в спектрах	ЯМР ¹ H- ¹³ C HSQC и ¹ H- ¹³ C HMBC	Сдитиомалондианилида 1
----------------------------------	---	------------------------

S W J	δ _C , м. д.						
о _Н , м. д.	¹ H– ¹³ C HSQC	¹ H– ¹³ C HMBC					
4.27 c (2H, CH ₂)	62.8 (CH ₂)	195.4 (C=S)					
7.23–7.27 м (2Н, Н ⁴ -Рh)	126.2* (2C ⁴ -Ph)	$123.0^* (2C^2, 2C^6-Ph)$					
7.40–7.43 м (4Н, Н ³ , Н ⁵ -Рh)	128.5* (2C ³ , 2C ⁵ -Ph)	123.0* (2C ² , 2C ⁶ -Ph), 128.5* (2C ³ , 2C ⁵ -Ph), 139.4 (2C ¹ -Ph)					
7.86 д (4Н, Н ² , Н ⁶ -Рh, ³ <i>J</i> 7.6 Гц)	$123.0*(2C^2, 2C^6-Ph)$	123.0* (2C ² , 2C ⁶ -Ph), 126.2* (2C ⁴ -Ph), 139.4 (2C ¹ -Ph)					
11.86 c (2H, NH)	_	62.8 (CH ₂), 123.0* (2C ² , 2C ⁶ -Ph)					



Рис. 1. Оптимизированные на уровне B3LYP-D3BJ/6-311+G(2d,p) молекулярные структуры таутомерных форм дитиомалондианилида: **А** – *транс*-дитионовая форма, **Б1** – *транс*-изомер ентиольной формы, **Б2** – *цис*-изомер ентиольной формы.

По данным ЯМР, в растворе ДМСО- d_6 и CDCl₃ соединение **1** существует в дитионовой форме: в спектре не обнаруживаются сигналы ентиольных таутомеров в заметном количестве, что в целом соотносится с литературными данными [44]. Следует отметить, что вопросы таутомерии и конформационного анализа дитиомалонамидов до настоящего времени практически не изучались. Так, в единственной найденной нами работе [45] были представлены исследования конформаций N,N'-диалкилдитиомалондиамидов на основе анализа ИК спектров в растворе. Для выяснения деталей стро-

ения дитиомалондианилида мы рассчитали энергии наиболее устойчивых таутомеров и провели сравнительный анализ экспериментальных и расчетных колебательных спектров с использованием квантово-химических методов.

Расчеты молекулярной геометрии и колебательных спектров таутомеров дитиомалодианилида осуществляли в программном пакете ORCA 4.2 [46, 47] с использованием гибридного функционала B3LYP [48, 49] с дисперсионной поправкой D3BJ [50] в валентно-расщепленном базисном наборе 6-311+G(2d,p). Сравнение рассчитанных



Рис. 2. Энергии таутомеров дитиомалондианилида 1, рассчитанные без учета влияния растворителя (*1*) и с учетом неспецифической сольватации в среде ДМСО (*2*), относительно минимального значения энергии таутомера **A** в среде ДМСО.

колебательных частот с экспериментальными осуществляли с учетом поправочных коэффициентов [0.9679 для высокочастотных (>1000 см⁻¹) и 1.0100 для низкочастотных колебаний (<1000 см⁻¹)] [51]. Для определения энергии сольватации исследуемых соединений осуществляли расчет с учетом неспецифической сольватации в рамках модели СРСМ [52]. Все расчеты осуществляли после предварительного поиска наиболее устойчивых конформаций. Для генерации Input-файлов применяли программу Gabedit 2.5 [53]. Для визуализации молекулярной геометрии и колебательных частот использовали программу ChemCraft 1.8.

Молекула дитиомалондианилида может существовать в виде двух таутомерных форм – дитионовой **A** и ентиольной **Б**. При этом ентиольная форма **Б**, в свою очередь, может существовать в виде *Z*- и *E*-изомеров. Для оценки устойчивости данных форм дитиомалондианилида был произведен квантово-химический DFT-расчет энергии наиболее устойчивых конформеров молекулы **1** как в вакууме, так и в среде ДМСО (учет растворителя производили с помощью континуумной модели СРСМ). Оптимизированные молекулярные структуры таутомеров представлены на рис. 1.

Результаты расчета энергии таутомеров привелены на рис. 2. Как можно заметить, по расчетным данным, дитионовая форма А является наиболее устойчивой как в вакууме, так и в среде ДМСО, что подтверждается данными спектроскопии ЯМР. Из ентиольных форм несколько более устойчивым является *транс*-изомер Б1, однако разница в энергии с цис-измером Б2 невелика и составляет 4.1 кДж/моль в вакууме и 2.3 кДж/моль в ДМСО. Следует отметить, что разница в энергии между дитионовой формой А и ентиольными формами Б1. Б2 в вакууме (18.7 кДж/моль) существенно превышает аналогичную величину в среде ДМСО (5.8 кДж/моль), что указывает на более эффективную сольватацию ентиольных форм и возможность существования таутомерного равновесия между формами А, Б1 и Б2. Следует отметить, что образование ентиольных форм дитиоамида 1 зафиксировано в спектрах, записанных в более полярном растворителе (CD₃COOD) [44].

Таким образом, по данным квантово-химических расчетов, дитиомалондианилид 1 в кристаллическом состоянии должен существовать в дитионовой форме А, которая является наиболее устойчивой. Данные ИК спектроскопии дитиомалондианилида в кристаллическом состоянии подтверждают данный вывод. Расчетный спектр дитионовой формы А согласуется с экспериментальным существенно лучше, чем расчетные спектры ентиольных форм Б1 и Б2. Сравнение экспериментальных значений колебательных частот дитиомалондианилида 1 с данными квантово-химического расчета для таутомера А представлено в табл. 2. Рассчитанные на уровне B3LYP-D3BJ/6-311+G(2d,p) ИК спектры различных таутомеров дитиомалондианилида 1 приведены в Дополнительных материалах.

В контексте изучения реакционной способности дитиомалондианилида как метиленактивного соединения представлялось целесообразным исследовать кислотные свойства данного соединения. Следует указать, что вопросам изучения кислотности метиленактивных тиоамидов посвящено относительно небольшое число работ. Так, в литературе имеются сведения об определенных методом потенциометрического титрования значениях

	ν, cm ⁻¹							
Отнесение		расчет						
	эксперимент	без поправочного коэффициента	с поправочным коэффициентом					
N-H	3182.3	3492.9	3380.8					
C _{Ar} –H	3012.6	3178.3	3076.3					
_a	1595.0	1650.1	1597.1					
С-С _{скелетные}	1595.0	1647.8	1594.9					
δ(N–H)	1515.9	1586.1	1535.2					
С-С _{скелетные}	1492.8	1532.9	1483.7					
$\delta(CH_2)$	1444.6	1493.7	1445.8					
C–N	1392.5	1431.3	1385.3					
a	1290.3	1361.8	1318.1					
a	1271.0	1282.5	1241.3					
C=S	1110.9	1113.5	1077.8					
_a	1070.4	1103.8	1068.4					
a	968.2	996.1	1006.0					
a	906.5	915.0	924.1					
a	848.6	849.3	857.8					
δ(C _{Ar} -H) _{внепл}	756.0	770.2	777.9					
a	715.5	742.8	750.2					
a	682.8	700.2	707.2					
a	545.8	557.8	563.4					
a	499.5	504.4	509.4					

Таблица 2. Сравнение экспериментальных колебательных частот (спектроскопия нарушенного полного внутреннего отражения) с данными квантово-химического расчета для дитионовой формы (таутомер A) дитиомалондианилида 1

^а Полосы поглощения соответствуют групповым колебаниям, которые сложно отнести к конкретному фрагменту молекулы.

рК цианотиоацетамида (р K_a 10.34 [54], 9.46 [55]), цианотиоацетанилида (р K_a 8.95 [55]), этил-3-(Rамино)-3-тиоксопропаноатов (р K_a 14.2–14.5 [56]), ряда β-(R-сульфонил)тиоацетамидов (р K_a 10.03– 13.41 [54, 55]), β-кетотиоамидов (р K_a 7.04–11.70 [54, 55, 57, 58]). При этом стоит отметить, что данные о кислотных свойствах дитиомалондиамидов в литературе отсутствуют.

Константу протонирования N,N'-дифенилдитиомалондиамида 1 определяли методом потенциометрического титрования в водно-спиртовой (1:2 по объему) и водно-ацетоновой (1:2 по объему) среде. Кривые потенциометрического титрования в водно-спиртовой и водно-ацетоновой среде приведены в Дополнительных материалах. Понижение буферной области кривых титрования свидетельствует о протолитическом равновесии N,N'-дифенилдитиомалонамида **1** в водно-спиртовом и водно-ацетоновом растворе при pH больше 8 (схема 4).

Предварительную оценку константы протонирования проводили по значениям экспериментальных точек кривых титрования двумя методами: прямым расчетом и по методу Бьеррума. Прямой расчет проводили согласно уравнению (1).



ЖУРНАЛ ОБЩЕЙ ХИМИИ том 91 № 11 2021

$$\lg K = \lg \frac{(1-a)c_{\rm HL} - [{\rm H}^+] + [{\rm OH}^-]}{ac_{\rm HL} + [{\rm H}^+] - [{\rm OH}^-]} + \rm pH.$$
(1)

Здесь *а* – степень нейтрализации, рассчитываемая по формуле (2).

$$a = \frac{V_{\text{OH}^-} \cdot c_{\text{OH}^-}}{V_{\text{O}} \cdot c_{\text{HI}}}.$$
 (2)

Здесь $c_{\rm HL}$ – концентрация дитиомалондианилида 1, моль/л; $c_{\rm OH}$ – концентрация щелочи, моль/л; $V_{\rm O}$ – объем титруемого раствора, мл.

По результатам прямого расчета среднее значение логарифма константы протонирования N,N'-дифенилдитиомалонамида 1 равно pK_a 10.28±0.02 в водно-спиртовой среде и pK_a 10.25±0.02 в водно-ацетоновой среде.

При определении константы протонирования соединения **1** по методу Бьеррума среднее лигандное число рассчитывали по уравнению (3).

$$\overline{n} = 1 - \frac{V_{\rm HL} \cdot c_{\rm OH^-}}{(V_{\rm O} + V_{\rm HL})c_{\rm HL}}.$$
(3)

Здесь \bar{n} – среднее лигандное число Бьеррума.

По полученным значениям были построены графики зависимости среднего лигандого числа \bar{n} от рН в водной-спиртовой и в водно-ацетоновой среде (см. Дополнительные материалы). Средние значения констант протонирования составили pK_a 10.30±0.05 в водно-спиртовой среде и pK_a 10.28±0.07 в водно-ацетоновой среде. Точные величины констант протонирования N,N'-дифенилдитиомалонамида 1 составили pK_a 10.30±0.02 в водно-спиртовой среде и pK_a 10.30±0.02 в водно-спиртовой среде.

По полученному значению константы протонирования дитиомалондианилида была построена диаграмма распределения протонированной и депротонированной форм лиганда в зависимости от pH (рис. 3). Из диаграммы, представленной на рис. 3, следует, что дитиомалондианилид 1 существует в водно-спиртовом растворе преимущественно в депротонированной форме при pH > 8.



Рис. 3. Кривые распределения протонированной (*1*) и депротонированной (*2*) форм дитиомалондианилида **1** при различных значениях pH раствора.

Имеющиеся в литературе данные о биологическом действии дитиомалондиамидов фрагментарны. Так, ряд дитиомалонамидов и их комплексов обладает фунгицидной активностью в отношении *Botrytis cinerea* и возбудителей ложной мучнистой росы винограда [59]. Также сообщается [60] об антибактериальном действии ряда производных малоновой кислоты, включая замещенные дитиомалондианилиды. Производные 1,2-дитиола, в том числе и продукты окисления малондитиоамидов, представляют значительный интерес в первую очередь как активные антираковые препараты изза присущего им репаративного действия в отношении ДНК [61–66].

Мы провели предварительные расчеты возможных протеиновых мишеней, параметров ADMET и параметров соответствия критериям биодоступности для дитиомалондианилида 1 и 3-фениламино-5-фенилимино-1,2-дитиола **3**. Анализ структур на соответствие «правилу пяти» К. Липински [молекулярная масса (MW) \leq 500, $cLogP \leq 5.0$, TPSA \leq 140 Å², число акцепторов водородных связей \leq 10, доноров \leq 5] [67–69] проведен с использованием программного сервиса OSIRIS Property Explorer [70]. Рассчитаны параметры: растворимость (logS), cLogP [логарифм коэффициента распределения между *н*-октанолом и водой lg($c_{octanol}/c_{water}$)], растворимость (lgS), площадь топологической полярной поверхности (Topological

ЖУРНАЛ ОБЩЕЙ ХИМИИ том 91 № 11 2021

1664

N,N'-ДИФЕНИЛДИТИОМАЛОНДИАМИД

Соединение	Риск токсичности ^а				Физико-химические параметры					
	A	В	C	D	cLogP	logS	MW	TPSA	drug-likeness	drug score
1	1 – – – –		3.15	-5.08	286	88.24	-1.81	0.38		
3	3 - - -		3.75	-4.04	284	74.99	-0.90	0.48		

Таблица 3. Риски токсичности и физико-химические параметры соединений 1 и 3, спрогнозированные с помощью сервиса OSIRIS Property Explorer

^а Знаком «+» показан высокий риск токсичности, «±» – умеренный риск, «–» – отсутствие токсичности. А – мутагенность, В – канцерогенность, С – раздражающее действие, D – репродуктивные эффекты.

ние	через ГЭБ ^а	інальная 1я ^а	Ингибирование цитохромов Р450 ^а						Острая токсичность (крысы), ЛД ₅₀ б <u>lg(ммоль/кг)</u> мг/кг		
Соединен	Гастроинтести абсорбци	CYP1A2	CYP2C19	CYP2C9	CYP2D6	CYP3A4	Тест Эймса ^а	IP	IV	Oral‡	
1	+	+	+	+	+	_	+	+	0.340	-0.49	0.726
	0.9108	0.8061	0.9691	0.8561	0.5749	0.7075	0.6606	0.5626	627.4	92.7	1524.0
3	+	+	+	+	_	+	-	+	<u>0.009</u>	<u>-0.594</u>	<u>0.565</u>
	0.9397	0.8430	0.8344	0.8049	0.5928	0.5174	0.6330	0.7470	290.3	72.37	1044.0

Таблица 4. Риски токсичности, параметры ADMET и биодоступности соединений 1 и 3

^а Знаком «+» или «–» показано наличие или отсутствие эффекта, число означает вероятность эффекта в долях от единицы.

⁶ IP (IntraPeritoneal) – внутрибрюшинное введение, IV (IntraVenous) – внутривенное введение, Oral – пероральное введение.

Polar Surface Area, TPSA), ряд токсикологических характеристик – рисков побочных эффектов (мутагенные, онкогенные, репродуктивные эффекты), параметр сходства с известными лекарственными препаратами (drug-likeness), а также общая оценка фармакологического потенциала соединения (drug score). Полученные расчетные данные представлены в табл. 3. Как следует из таблицы, соединения 1 и 3 полностью соответствует критериям пероральной биодоступности, не обнаруживают прогнозируемого риска токсичных эффектов, и имеют достаточно высокие предсказанные значения показателя фармакологического потенциала соединения (drug score).

Для прогнозирования параметров ADMET также использовались программные пакеты ЖУРНАЛ ОБЩЕЙ ХИМИИ том 91 № 11 2021 SwissADME [71], admetSAR [72] и GUSAR [73]. Полученные расчетные данные представлены в табл. 4. В целом, оценка острой токсичности позволяет отнести соединения 1 и 3 к IV и V классам опасности согласно критериям OECD [74].

Расчет вероятной антибактериальной активности с помощью сервиса Way2Drug AntiBac-Pred [75, 76] указывает на высокий потенциал дитиомалонанилида **1** как противомикробного агента в отношении возбудителя брюшного тифа Salmonella typhi (C 0.8108), сенной палочки Bacillus subtilis (C 0.7994), чумной палочки Yersinia pestis (C 0.5138) [показатель confidence (C) рассчитывается как превышение вероятности активности над вероятностью неактивности, $P_A > P_I$]. Для 1,2-дитиола **3** ожидается наиболее вероятная активность в

		1			
Соединение	Идентификатор протеина PDB ID	Идентификатор протеина UniProt ID	Предокинговая оценка протеин- лигандного взаимодействия (Predock score)	Свободная энергия связывания, ккал/ моль (Docking score)	Общая оценка протеин-лигандного взаимодействия
$ \underbrace{ \begin{pmatrix} & H \\ & N \\ & \end{pmatrix} }_{S} \underbrace{ \begin{pmatrix} H \\ & N \\ &$	4rqv 1c5z 5o2d 4twp 2gwh 1q20 1uwj 3nyx 3rx3 6mom 6n8s 4fmw 1ydr 2reo 5tx5 4jvl 2onl 6e2n 5ek0	O15530 P00749 Q460N5 P00519 O75897 O00204 P15056, P15056 P29597 P15121 Q9NWZ3 Q6P1M3 Q8TBZ6 P61925 Q6IMI6 Q13546 P49888 P49137, Q16539 Q99683, Q99683 Q15858, Q15858, Q15858	0.141 0.074 0.074 0.074 0.074 0.052 0.058 0.068 0.064 0.045 0.064 0.047 0.076 0.047 0.047 0.047 0.047 0.059 0.064 0.052	-16.978 -17.425 -21.280 -18.401 -21.977 -20.535 -18.726 -19.158 -21.513 -18.916 -20.850 -21.048 -17.220 -21.302 -20.938 -20.938 -20.893 -19.291 -18.560 -20.089	0.268 0.242 0.233 0.219 0.217 0.212 0.209 0.208 0.207 0.206 0.205 0.205 0.205 0.205 0.205 0.204 0.204 0.204 0.204 0.204 0.203 0.203
$ \begin{array}{c} $	Smwy 4rqv 4nns 5ewv 5m0c 5d0r 5o2d 1c5z 4twp 3nyx 5ngz 3mdy 5niu 2gwh 6c4d 5dft 4d83 4y85 6cnx 1g3m 6gqo	O15530 P15090 P55201 P61925 Q96PN6 Q460N5 P00749 P00519 P29597 Q9NPD8 O00238 Q9NZQ7, Q9NZQ7 O75897 Q13546 P02751, P02751, P02751, P02751, P02751 P56817 P41279, P41279 Q99986 P49888 P35968	0.061 0.147 0.117 0.102 0.090 0.092 0.089 0.088 0.075 0.066 0.080 0.058 0.050 0.050 0.048 0.058 0.058 0.058 0.048 0.048 0.048 0.048 0.048 0.061 0.052 0.060	$\begin{array}{r} -18.834\\ -15.466\\ -15.670\\ -17.041\\ -18.235\\ -17.629\\ -17.852\\ -17.852\\ -17.586\\ -19.098\\ -19.765\\ -17.410\\ -20.259\\ -21.140\\ -20.259\\ -21.143\\ -21.251\\ -19.680\\ -16.647\\ -20.967\\ -19.162\\ -20.300\\ -19.198\end{array}$	0.202 0.263 0.225 0.226 0.225 0.223 0.220 0.218 0.214 0.210 0.210 0.209 0.209 0.209 0.207 0.206 0.205 0.205 0.204 0.204

Таблица 5. Результаты прогнозирования протеин-лигандного взаимодействия для соединений 1 и 3

отношении Yersinia pestis (C 0.3938) и возбудителя туберкулеза *Mycobacterium bovis*, штамм BCG (C 0.2291).

Возможные протеиновые мишени для полученных соединений были спрогнозированы с использованием нового протокола протеин-лигандного докинга GalaxySagittarius [77] на базе веб-сервера GalaxyWeb [78, 79]. 3D-Структуры соединений были предварительно оптимизированы средствами молекулярной механики в силовом поле ММ2 для выбора оптимальной геометрии и минимизации энергии. Докинг с использованием протокола GalaxySagittarius проводился в режимах Binding compatability prediction и Re-ranking using docking. В табл. 5 представлены результаты докинга по каждому из соединений 1, 3 для 20 комплексов протеиновая мишень-лиганд с минимальным значением свободной энергии связывания $\Delta G_{\rm bind}$ и наилучшей оценкой протеин-лигандного взаимодействия. Прогнозируемые протеиновые мишени указаны с помощью ID-идентификаторов в Protein Data Bank (PDB) и в базе данных UniProt. Общими рецепторами для соединений 1, 3 являются 3-фосфоинозитид-зависимая протеинкиназа PDK1 (PDB ID 4rqv), урокиназный активатор плазминогена (uPA) (PDB ID 1c5z), полимераза PARP14 (poly(ADP-ribose) polymerase 14, PDB ID 5o2d), мутантная (T315I) Всг-Abl1 тирозинкиназа (PDB ID 4twp), тирозин-протеинкиназа ТҮК2 (PDB ID 3пух) (рис. 4).

Протеинкиназа PDK1 играет важную роль в клеточных процессах, в том числе приводит к активации сигнального пути PI3K, что сопряжено с избыточной пролиферацией клеток [80, 81]. Урокиназный активатор плазминогена (uPA) – протеаза, связанная с развитием метастаз; ингибиторы uPA представляют интерес как перспективные агенты для терапии рака простаты и груди [82-84]. Полимераза PARP14 является перспективной мишенью для разработки препаратов для терапии диффузной крупноклеточной В-клеточной лимфомы, множественной миеломы, рака простаты и гепатоцеллюлярной карциномы, а также аллергических воспалительных процессов [85]. Наряду с этим, PARP14 играет важную роль в репликации вирусов [86] и регулирует интерфероновый отклик на вирусную инфекцию SARS-CoV-2 [87]. Мутантная Bcr-Abl^{T3151}-тирозинкиназа играет ключевую

ЖУРНАЛ ОБЩЕЙ ХИМИИ том 91 № 11 2021

роль в патогенезе хронического миелоидного лейкоза [88-90]. Ингибиторы тирозин-киназы ТҮК2 могут быть использованы для лечения псориаза, системной красной волчанки и ревматоидного артрита [91–93].

Минимум расчетной энергии связывания дитиомалондианилида 1 (ΔG_{bind}) для -21.977 ккал/моль) и одно из наименьших значений для 1,2-дитиола 3 ($\Delta G_{\text{bind}} = -21.143$ ккал/моль) отмечается в случае протеиновой мишени SULT1C2 (PDB ID 2gwh) - сульфотрансферазы, регулирующей метаболизм ксенобиотиков фенольного типа [94]. В целом, соединения 1 и 3 представляют интерес как перспективные объекты для скрининга с целью поиска новых агентов, в первую очередь, для терапии различных вирусных, аутоиммунных и онкологических заболеваний.

Таким образом, в настоящей работе проведен детальный анализ особенностей строения и свойств дитиомалондианилида: получены новые спектральные характеристики, впервые экспериментально определен показатель кислотности, расчетными методами выявлены наиболее устойчивые таутомерные формы. Для наиболее устойчивых таутомерных форм рассчитаны ИК спектры, проведен их сравнительный анализ с экспериментальными спектрами. Показано, что в кристаллическим виде дитиомалондианилид существует в дитионной форме, тогда как в растворе возможно существование ентиольных таутомеров. Для дитиомалондианилида и продукта его окисления, 3-фениламино-5-фенилимино-1,2-дитиола, проведен расчет токсичности и параметров биодоступности, методом молекулярного докинга отобраны наиболее вероятные протеиновые мишени. Исходя из полученных данных, дитиомалондианилид и 3-фениламино-5-фенилимино-1,2-дитиол представляют интерес для дальнейших исследований в области поиска антибактериальных препаратов и новых средств терапии различных форм онкозаболеваний.

ЭКСПЕРИМЕНТАЛЬНАЯ ЧАСТЬ

ИК спектры получали на спектрометре Bruker Vertex 70 с приставкой НПВО методом нарушенного полного внутреннего отражения на кристалле алмаза, погрешность ±4 см⁻¹. Спектры ЯМР регистрировали на приборе Bruker Avance III HD



Рис. 4. Прогнозируемая структура протеин-лигандных комплексов для дитиомалондианилида 1 и протеинкиназы PDK1 (PDB ID 4rqv) (a), дитиомалондианилида 1 и сульфотрансферазы SULT1C2 (PDB ID 2gwh) (б), 1,2-дитиола 3 и протеинкиназы PDK1 (PDB ID 4rqv) (в), 1,2-дитиола 3 и тирозин-протеинкиназы TYK2 (PDB ID 3nyx) (г) (получено с использованием протокола GalaxyWeb Sagittarius). Молекулярная графика визуализирована с использованием программного комплекса UCSF Chimera [95, 96].

400MHz [400.17 (¹H), 100.63 МГц (¹³C)] в растворе ДМСО-*d*₆ и CDCl₃, в качестве стандарта использовали остаточные сигналы растворителя. Индивидуальность полученных образцов контролировали методом TCX на пластинах Сорбфил-А («ООО Имид», Краснодар), элюент – ацетон–петролейный эфир (3:5), проявитель – пары иода, УФ детектор. Этанол абсолютировали кипячением с металлическим кальцием с последующей перегонкой.

N,N'-Дифенилдитиомалондиамид (1) получали по модифицированной методике, основанной на патенте [43]. К абсолютированному EtOH (50 мл) добавляли 0.96 г (0.042 моль) металлического натрия; к свежеполученному раствору эти-

лата натрия приливали 4.28 мл (0.042 моль) свежеперегнанного ацетилацетона при 25°С. Раствор перемешивали 5 мин до завершения образования ацетилацетоната натрия, затем добавляли 10.0 мл (0.084 моль) фенилизотиоцианата. Смесь перемешивали 2 ч и оставляли на ночь при 25°С. Полученный желто-оранжевый раствор выливали в 100 мл ледяной воды и перемешивали до образования лимонно-желтого осадка дитиомалондианилида 1. Осадок отфильтровывали, промывали EtOH, сушили при 50°С и получали 8.21 г тиоанилида 1. Из маточного раствора через 24 ч дополнительно отфильтровывали еще 3.38 г продукта. Суммарный выход дитиомалондианилида составил 11.59 г (97%), порошок желтого цвета, т. пл. 150–152°С, R_f 0.42. Соединение для аналитических целей может быть очищено перекристаллизацией из горячего EtOH или смеси ацетон-гептан, 1:1. Дитималондианилид хорошо растворим в ацетоне, EtOAc, ДМСО и ДМФА, умеренно растворим в горячем EtOH, нерастворим в воде. ИК спектр, v, см⁻¹: 1111 (C=S), 1595 (C-C), 3013 (C_{Ar}-H), 3182 (N-H). Спектр ЯМР ¹Н (ДМСО-*d*₆), б, м. д.: 4.27 с (2Н, CH₂), 7.23–7.27 м (2H, H⁴-Ph), 7.40–7.43 м (4H, H³. H⁵-Ph), 7.86 д (4H, H², H⁶-Ph, ³*J* 7.6 Гц), 11.86 с (2H, NH). Спектр ЯМР ¹Н (CDCl₂), δ, м. д.: 4.22 с (2H, CH₂), 7.26–7.30 м (2H, H⁴-Ph), 7.38–7.42 м (4H, H³, H⁵-Ph), 7.72 д (4H, H², H⁶-Ph, ³J 7.8 Гц), 10.17 с (2H, NH). Спектр ЯМР ¹³С DEPTQ (ДМСО- d_6), δ_C , м. д.: 62.8 (CH₂), 123.0* (2С², 2С⁶-Ph), 126.2* (2С⁴-Ph), 128.5* (2C³, 2C⁵-Ph), 139.4 (2C¹-Ph), 195.4 (C=S). Здесь и далее звездочкой отмечены сигналы в противофазе. Спектр ЯМР ¹³С (CDCl₃), δ_{C} , м. д.: 66.7 (CH₂), 123.2 (2C², 2C⁶-Ph), 127.3 (2C⁴-Ph), 129.0 (2C³, 2C⁵-Ph), 138.2 (2C¹-Ph), 193.8 (C=S). Найдено, %: С 62.87; Н 4.99; N 9.75. С₁₅Н₁₄N₂S₂. Вычислено, %: С 62.90; Н 4.93; N 9.78. M 286.42.

3-Фениламино-5-фенилимино-1,2-дитиол (3). Смесь дитиомалондианилида **1** (400 мг, 1.4 ммоль), 10 мл 10%-ного водного раствора КОН и 25 мл ЕtOH перемешивали и оставляют на 72 ч, после чего нейтрализовали AcOH. Осадок отфильтровывали, промывали водным EtOH и петролейным эфиром. Получали 251 мг (63%) дитиола **3** в виде порошка желто-оранжевого цвета, R_f 0.52. Спектр ЯМР ¹H (ДМСО- d_6), δ , м. д.: 6.94 уш. с (1H, C⁴H), 6.98–7.02 м (2H, H⁴-Ph), 7.24–7.28 м (4H, H³, H⁵-Ph), 7.36–7.50 м (4H, H², H⁶-Ph), 11.44

ЖУРНАЛ ОБЩЕЙ ХИМИИ том 91 № 11 2021

с (1H, NH). Спектр ЯМР ¹³С (ДМСО- d_6), δ_C , м. д.: 113.1 (С⁴), 121.2 (2С², 2С⁶-Ph), 122.8 (2С⁴-Ph), 128.5 (2С³, 2С⁵-Ph), 145.1 (2С¹-Ph). Сигнал С³ (С⁵) не обнаруживается, вероятно, вследствие быстрых таутомерных переходов. Найдено, %: С 63.37; Н 4.33; N 9.83. С₁₅H₁₂N₂S₂. Вычислено, %: С 63.35; H 4.25; N 9.85. *M* 284.40.

рН-Потенциометрическое титрование водно-спиртовых и водно-ацетоновых (1:2 по объему) растворов N,N'-дифенилдитиомалондиамида 1 проводили с использованием иономера ЭКСПЕРТ-001-1 с комбинированным стеклянным электродом ЭСК-10603 в термостатированной ячейке при 25±0.1°С и ионной силе раствора 0.1 М. КСІ. В качестве титранта использовали освобожденный от карбонатов 1 М. раствор КОН. точную концентрацию которого устанавливали по 1 М. раствору HCl. Для определения констант протонирования титровали смеси N,N'-дифенилдитиомалондиамида 1 (с_{ні} 0.01 М.) и соляной кислоты (с_{HCl} 0.1 М.), избыток которой требовался для перевода N,N'-дифенилдитиомалондиамида 1 в полностью протонированную форму в начальный момент титрования.

ИНФОРМАЦИЯ ОБ АВТОРАХ

Синоцко Анна Эдуардовна, ORCID: https:// orcid.org/0000-0003-4625-8798

Беспалов Александр Валерьевич, ORCID: https://orcid.org/0000-0002-9829-9674

Пащевская Наталья Вячеславовна, ORCID: https://orcid.org/0000-0002-9494-4488

Доценко Виктор Викторович, ORCID: http:// orcid.org/0000-0001-7163-0497

Аксенов Николай Александрович, ORCID: http://orcid.org/0000-0002-7125-9066

Аксенова Инна Валерьевна, ORCID: http:// orcid.org/0000-0002-8083-1407

БЛАГОДАРНОСТЬ

Исследования проведены с использованием оборудования научно-образовательного центра «Диагностика структуры и свойств наноматериалов» и оборудования центра коллективного пользования «Эколого-аналитический центр» Кубанского государственного университета.

ФОНДОВАЯ ПОДДЕРЖКА

Исследование выполнено при финансовой поддержке Российского фонда фундаментальных исследований и администрации Краснодарского края в рамках научного проекта № 19-43-230007 р_а, а также Министерства образования и науки Российской Федерации (тема 0795-2020-0031).

КОНФЛИКТ ИНТЕРЕСОВ

Авторы заявляют об отсутствии конфликта интересов.

ДОПОЛНИТЕЛЬНЫЕ МАТЕРИАЛЫ

Дополнительные материалы для этой статьи доступны по doi 10.31857/S0044460X21110032 для авторизованных пользователей.

СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

- Pal T., Ganguly A., Maity D.S., Livingstone S.E. // Talanta. 1986. Vol. 33. N 12. P. 973. doi 10.1016/0039-9140(86)80236-3
- Peyronel G., Pellacani G.C., Benetti G., Pollacci G. // J. Chem. Soc. Dalton Trans. 1973. N 8. P. 879. doi 10.1039/DT9730000879
- Pal T., Ganguly A., Pal A. // J. Ind. Chem. Soc. 1988. Vol. 65. P. 655.
- Pellacani G.C. // Can. J. Chem. 1974. Vol. 52. N 20. P. 3454. doi 10.1139/v74-512
- Pellacani G.C., Peyronel G., Malavasi W., Menabue L. // J. Inorg. Nucl. Chem. 1977. Vol. 39. N 10. P. 1855. doi 10.1016/0022-1902(77)80222-4
- Михайлов О.В., Казымова М.А., Шумилова Т.А. // ЖОХ. 2008. Т. 78. № 2. С. 279; Mikhailov O.V., Kazymova M.A., Shumilova T.A. // Russ. J. Gen. Chem. 2008. Vol. 78. N 2. P. 258. doi 10.1134/ S1070363208020138
- Kumar A., Singh M.M. // Anti-Corros. Methods Mater. 1993. Vol. 40. N 12. P. 4. doi 10.1108/eb007333
- Ortet O., Paiva A.P. // Sep. Sci. Technol. 2010. Vol. 45. N 8. P. 1130. doi 10.1080/01496391003697408
- Грабенко А.Д., Кулаева Л.Н., Пелькис П.С. // ХГС. 1974. № 7. С. 924; Grabenko A.D., Kulaeva L.N., Pel'kis P.S. // Chem. Heterocycl. Compd. 1974. Vol. 10. N 7. P. 806. doi 10.1007/bf00471359
- Кулаева Л.Н., Грабенко А.Д., Пелькис П.С. // ХГС. 1978. № 7. С. 909; Kulaeva L.N., Grabenko A.D., Pel'kis P.S. // Chem. Heterocycl. Compd. 1978. Vol. 14. N 7. P. 731. doi 10.1007/BF00471638
- Barnikow G. // Chem. Ber. 1967. Vol. 100. N 5. P. 1389. doi 10.1002/cber.19671000502

- 12. Schmidt U. // Chem. Ber. 1959. Vol. 92. N 5. P. 1171. doi 10.1002/cber.19590920527
- Menabue L., Pallacani G.C. // J. Chem. Soc. Dalton Trans. 1976. N 5. P. 455. doi 10.1039/DT9760000455
- Breising V.M., Gieshoff T., Kehl A., Kilian V., Schollmeyer D., Waldvogel S.R. // Org. Lett. 2018. Vol. 20. N 21. P. 6785. doi 10.1021/acs.orglett.8b02904
- Грабенко А.Д., Кулаева Л.Н., Пелькис П.С. // ХГС. 1966. Т. 2. № 3. С. 364; Grabenko A.D., Kulaeva L.N., Pel'kis P.S. // Chem. Heterocycl. Compd. 1966. Vol. 2. N 3. P. 261. doi 10.1007/BF00742362
- Обыденнов К.Л., Головко Н.А., Костерина М.Ф., Поспелова Т.А., Слепухин П.А., Моржерин Ю.Ю. // Изв. АН. Сер. хим. 2014. № 6. С. 1330; Obydennov K.L., Golovko N.A., Kosterina M.F., Pospelova T.A., Slepukhin P.A., Morzherin Y.Y. // Russ. Chem. Bull. 2014. Vol. 63. N 6. P. 1330. doi 10.1007/s11172-014-0599-2
- Низовцева Т.В., Комарова Т.Н., Нахманович А.С., Ларина Л.И., Лопырев В.А., Калистратова Е.Ф. // ЖОрХ. 2002. Т. 38. № 8. С. 1256; Nizovtseva T.V. Komarova T.N.. Nakhmanovich A.S., Larina L.I., Lopyrev V.A., Kalistratova E.F. // Russ. J. Org. Chem. 2002. Vol. 38. N 8. P. 1205. doi 10.1023/A:1020922131002
- Елохина В.Н., Ярошенко Т.И., Нахманович А.С., Ларина Л.И., Амосова С.В. // ЖОХ. 2006. Т. 76.
 № 12. С. 2005; Elokhina V.N., Yaroshenko T.I., Nakhmanovich A.S., Larina L.I., Amosova S.V. // Russ. J. Gen. Chem. 2006. Vol. 76. N 12. P. 1916. doi 10.1134/ S1070363206120140
- Низовцева Т.В., Комарова Т.Н., Нахманович А.С., Лопырев В.А. // ХГС. 2002. № 9. С. 1293; Nizovtseva T.V. Komarova T.N.. Nakhmanovich A.S., Lopyrev V.A. // Chem. Heterocycl. Compd. 2002. Vol. 38. N 9. P. 1134. doi 10.1023/A:1021273702933
- Волкова К.А., Нахманович А.С., Елохина В.Н., Ярошенко Т.К., Ларина Л.К., Шулунова А.М., Амосова С.В. // ЖОрХ. 2007. Т. 43. № 5. С. 770; Volkova K.A., Nakhmanovich A.S., Elokhina V.N., Yaroshenko T.I., Larina L.I., Shulunova A.M., Amosova S.V. // Russ. J. Org. Chem. 2007. Vol. 43. N 5. P. 768. doi 10.1134/S1070428007050211
- Nizovtseva T.V., Komarova T.N., Nakhmanovich A.S., Larina L.I., Lopyrev V.A. // Arkivoc. 2003. Vol. xiii. P. 191. doi 10.3998/ark.5550190.0004.d20
- Chirkina E.A., Larina L.I., Komarova T.N. // J. Organomet. Chem. 2020. Vol. 915. Article N 121242. doi 10.1016/j.jorganchem.2020.121242
- Доценко В.В., Кривоколыско С.Г., Фролов К.А. // ХГС. 2015. Т. 51. № 4. С. 389; Dotsenko V.V., Krivokolysko S.G., Frolov К.А. // Chem. Heterocycl. Compd. 2015. Vol. 51. N 4. P. 389. doi 10.1007/s10593-015-1713-6

- Bakulev V.A., Lebedev A.T., Dankova E.F., Mokrushin V.S., Petrosyan V.S. // Tetrahedron. 1989. Vol. 45. N 23. P. 7329. doi 10.1016/S0040-4020(01)89194-8
- Obydennov K.L., Klimareva E.L., Kosterina M.F., Slepukhin P.A., Morzherin Y.Y. // Tetrahedron Lett. 2013. Vol. 54. N 36. P. 4876. doi 10.1016/j.tetlet.2013.06.127
- Barnikow G. // Lieb. Ann. Chem. 1966. Bd 700. N 1. S. 46. doi 10.1002/jlac.19667000107
- Degorce S., Jung F.H., Harris C.S., Koza P., Lecoq J., Stevenin A. // Tetrahedron Lett. 2011. Vol. 52. N 50. P. 6719. doi 10.1016/j.tetlet.2011.09.150
- Литвинов В.П. // Усп. хим. 1999. Т. 68. № 9. С. 817; Litvinov V.P. // Russ. Chem. Rev. 1999. Vol. 68. N 9. P. 737. doi 10.1070/RC1999v068n09ABEH000533
- Брицун В.М., Есипенко А.М., Лозинский М.О. // ХГС.
 2008. № 12. С. 1763; Britsun V.N., Esipenko A.N., Lozinskii M.O. // Chem. Heterocycl. Compd. 2008.
 Vol. 44. N 12. Р. 1429. doi 10.1007/s10593-009-0214-x
- 30. Дяченко В.Д., Дяченко И.В., Ненайденко В.Г. // Усп. хим. 2018. Т. 87. № 9. С. 1; Dyachenko V.D., Dyachenko I.V., Nenajdenko V.G. // Russ. Chem. Rev. 2018. Vol. 87. N 1. P. 1. doi 10.1070/RCR4760
- Доценко В.В., Бурый Д.С., Лукина Д.Ю., Кривоколыско С.Г. // Изв. АН. Сер. хим. 2020. № 10. С. 1829; Dotsenko V.V., Buryi D.S., Lukina D.Yu., Krivokolysko S.G. // Russ. Chem. Bull. 2020. Vol. 69. N 10. P. 1829. doi 10.1007/s11172-020-2969-2
- Магеррамов А.М., Шихалиев Н.Г., Дяченко В.Д., Дяченко И.В., Ненайденко В.Г. α-Цианотиоацетамид. М.: Техносфера, 2018. 224 с.
- Barnikow G. // J. Prakt. Chem. 1966. Bd 32. N 5–6.
 S. 254. doi 10.1002/prac.19660320505
- Stock A., Praetorius P. // Chem. Ber. 1912. Bd 45. N 3.
 S. 3568. doi 10.1002/cber.191204503114
- Stadlbauer W., Kappe T., Ziegler E. // Z. Naturforsch.
 (B). 1977. Bd 32. N 8. S. 893. doi 10.1515/znb-1977-0813
- Stadlbauer W., Kappe T. // Sulfur Rep. 1999. Vol. 21. N 4. P. 423. doi 10.1080/01961779908047951
- Reissert A., Moré A. // Chem. Ber. 1906. Bd 39. N 3.
 S. 3298. doi 10.1002/cber.190603903152
- Данкова Е.Ф., Бакулев В.А., Моржерин Ю.Ю. // XГС. 1992. № 8. С. 1106; Dankova E.F., Bakulev V.A., Morzherin Yu.Yu. // Chem. Heterocycl. Compd. 1992. Vol. 28. N 8. P. 931. doi 10.1007/BF00531330
- Scheibye S., Pedersen B.S., Lawesson S.O. // Bull. Soc. Chim. Belg. 1978. Vol. 87. N 3. P. 229. doi 10.1002/ bscb.19780870311
- Hoffmeister Marten E., Maggiulli C. A. // J. Heterocycl. Chem. 1978. Vol. 15. N 8. P. 1277. doi 10.1002/ jhet.5570150807
- Barnikow G., Kath V., Richter D. // J. Prakt. Chem. 1965. Bd 30. N 1–2. S. 63. doi 10.1002/prac.19650300108

- 42. *Grabenko A.D., Pelkis P.S., Borisewitsch A.N., Kulajewa L.N.* Pat. DE1225633 (1966) (ΦΡΓ).
- Грабенко А.Д., Пелькис П.С., Борисевич А.Н., Кулаева Л. Н. А.с. № 198327 СССР (1967) // Б. И. 1967. № 14.
- Обыденнов К.Л. Дис. ... канд. хим. наук. Екатеринбург, 2015. С. 49.
- 45. Гинзбург И.М., Дашкевич Л.Б., Кузнецов П.В., Тарасов Б.П. // ЖОХ. 1975. Т. 45. № 12. С. 2705.
- Neese F. // WIREs Comput. Mol. Sci. 2012. Vol. 2. N 1. P. 73. doi 10.1002/wcms.81
- 47. *Neese F.* // WIREs Comput. Mol. Sci. 2018. Vol. 8. N 1. Paper e1327. doi 10.1002/wcms.1327
- Becke A.D. // Phys. Rev. (A). 1988. Vol. 38. N 6. P. 3098. doi 10.1103/PhysRevA.38.3098
- Lee C., Yang W., Parr R.G. // Phys. Rev. (B). 1988.
 Vol. 37. N 2. P. 785. doi 10.1103/PhysRevB.37.785
- Grimme S., Ehrlich S., Goerigk L. // J. Comput. Chem. 2011. Vol. 32. N 7. P. 1456. doi 10.1002/jcc.21759
- Andersson M.P., Uvdal P. // J. Phys. Chem. (A). 2005. Vol. 109. N 12. P. 2937. doi 10.1021/jp045733a
- Tomasi J., Mennucci B., Cammi R. // Chem. Rev. 2005. Vol. 105. N 8. P. 2999. doi 10.1021/cr9904009
- Allouche A.-R. // J. Comput. Chem. 2011. Vol. 32. N 1. P. 174. doi 10.1002/jcc.21600
- Walter W., Meyer H.-W., Lehmann A. // Lieb. Ann. Chem. 1974. Bd 1974. N 5. S.765. doi 10.1002/ jlac.197419740508
- Брицун В.М., Дорощук В.А., Богдан Н.В., Зайцев В.М., Лозинский М.О. // Укр. хим. журн. 2007. Т. 73. № 5. С. 40.
- Б. Печенюк В.А., Кузнецов П.В., Дашкевич Л.Б. // ЖОрХ. 1975. Т. 11. № 6. С. 1345.
- Barsoum B.N., Naoum M.M. // Ind. J. Chem. (A). 1985. Vol. 24. N 6. P. 533.
- Брицун В.М., Дорощук В.А., Старова В.С., Рябицкий А.Б., Лозинский М.О. // ЖОХ. 2012. Т. 82.
 № 10. С. 1695; Britsun V.N., Doroshchuk V.A., Starova V.S., Ryabitskii A.B., Lozinskii M.O. // Russ. J. Gen. Chem. 2012. Vol. 82. N 10. P. 1700. doi 10.1134/ S1070363212100106
- 59. Bayer H.O., Weiler E.D. US Patent 3829580 (1974).
- 60. Rahme L., Lepine F., Maura D., Napolitano C., Felici A., Negri M., Fontana S., Andreotti D. Patent WO2019/79759 (2019).
- 61. Roebuck B.D., Liu Y.L., Rogers A.E., Groopman J.D., Kensler T.W. // Cancer Res. 1991. Vol. 51. N 20. P. 5501.
- Groopman J.D., DeMatos P., Egner P.A., Love-Hunt A., Kensler T.W. // Carcinogenesis. 1992. Vol. 13. N 1. P. 101. doi 10.1093/carcin/13.1.101
- 63. Wang J.S., Shen X., He X., Zhu Y.R., Zhang B.C., Wang J.B., Qian G.S., Kuang S.Y., Zarba A., Egner P.A., Jacobson L.P., Muñoz A., Helzlsouer K.J., Groop-

man J.D., Kensler T.W. // J. Nat. Cancer Inst. 1999. Vol. 91. N 4. P. 347. doi 10.1093/jnci/91.4.347

- Chatterji T., Kizil M., Keerthi K., Chowdhury G., Pospísil T., Gates K.S. // J. Am. Chem. Soc. 2003. Vol. 125. N 17. P. 4996. doi 10.1021/ja029169y
- Kwak M.K., Wakabayashi N., Itoh K., Motohashi H., Yamamoto M., Kensler T.W. // J. Biol. Chem. 2003. Vol. 278. N 10. P. 8135. doi 10.1074/jbc.M211898200
- Jian F., Zheng J., Li Y., Wang J. // Green Chem. 2009. Vol. 11. N 2. P. 215. doi 10.1039/b808949c
- Lipinski C.A., Lombardo F., Dominy B.W., Feeney P.J. // Adv. Drug. Delivery Rev. 1997. Vol. 23. N 1–3. P. 4. doi 10.1016/S0169-409X(96)00423-1
- *Lipinski C.A.* // Drug Discov. Today: Technologies. 2004.
 Vol. 1. N 4. P. 337. doi 10.1016/j.dttec.2004.11.007
- Lipinski C.A., Lombardo F., Dominy B.W., Feeney P.J. // Adv. Drug. Delivery Rev. 2012. Vol. 64. Suppl. P. 4. doi 10.1016/j.addr.2012.09.019
- 70. Sander T. OSIRIS Property Explorer. http:// www.organic-chemistry.org/prog/peo/. Idorsia Pharmaceuticals Ltd, Switzerland.
- Daina A., Michielin O., Zoete V. // Sci. Rep. 2017. Vol. 7. Article N 42717. doi 10.1038/srep42717
- Cheng F., Li W., Zhou Y., Shen J., Wu Z., Liu G., Lee P.W., Tang Y. // J. Chem. Inf. Model. 2012. Vol. 52. N 11. P. 3099. doi 10.1021/ci300367a
- Lagunin A., Zakharov A., Filimonov D., Poroikov V. // Mol. Inform. 2011. Vol. 30. N 2–3. P. 241. doi 10.1002/ minf.201000151
- 74. OECD Environment, Health and Safety Publications Series on Testing and Assessment No 24. Guidance Document on Acute oral Toxicity Testing. ENV/JM/ MONO(2001)4. OECD, Paris. https://www.oecd.org/ officialdocuments/publicdisplaydocumentpdf/?cote=e nv/jm/mono(2001)4&doclanguage=en
- Way2Drug, AntiBac-Pred. http://way2drug.com/ antibac/. Laboratory for Structure-Function Based Drug Design, Institute of Biomedical Chemistry (IBMC), Moscow, Russia.
- Filimonov D., Druzhilovskiy D., Lagunin A., Gloriozova T., Rudik A., Dmitriev A., Pogodin P., Poroikov V. // Biomed. Chem. Res. Methods. 2018. Vol. 1. N 1. Paper e00004. doi 10.18097/bmcrm00004
- Yang J., Kwon S., Bae S.H., Park K.M., Yoon C., Lee J.H., Seok C. // J. Chem. Inf. Model. 2020. Vol. 60. N 6. P. 3246. doi 10.1021/acs.jcim.0c00104
- 78. GalaxyWEB. http://galaxy.seoklab.org/index.html. A web server for protein structure prediction, refinement, and related methods. Computational Biology Lab, Department of Chemistry, Seoul National University, S. Korea.
- Ko J., Park H., Heo L., Seok C. // Nucleic Acids Res. 2012. Vol. 40. Iss. W1. P. W294. doi 10.1093/nar/gks493

- Barile E., De S.K., Pellecchia M. // Pharm. pat. anal. 2012. Vol. 1. N 2. P. 145. doi 10.4155/ppa.12.17.
- Sabbah D.A., Hajjo R., Bardaweel S.K., Zhong H.A. // Exp. Opin. Therap. Pat. 2021. doi 10.1080/ 13543776.2021.1924150
- 82. Andreasen P.A., Kjøller L., Christensen L., Duffy M.J. // Int. J. Cancer. 1997. Vol. 72. N 1. P. 1. doi 10.1002/ (SICI)1097-0215(19970703)72:1<1::AID-IJC1>3.0.CO;2-Z
- Li Santi A., Napolitano F., Montuori N., Ragno P. // Int. J. Mol. Sci. 2021. Vol. 22. N 8. P. 4111. doi 10.3390/ ijms22084111
- Katz B.A., Mackman R., Luong C., Radika K., Martelli A., Sprengeler P.A., Wang J., Chan H., Wong L. // Chem. Biol. 2000. Vol. 7. P. 299. doi 10.1016/S1074-5521(00)00104-6
- Qin W., Wu H.J., Cao L.Q., Li H.J., He C.X., Zhao D., Xing L., Li P.Q., Jin X., Cao H.L. // Front. Pharmacol. 2019. Vol. 10. P. 172. doi 10.3389/fphar.2019.00172
- Tauber A.L., Levonis S.M., Schweiker S.S. // Fut. Med. Chem. 2020. Vol. 12. N 18. P. 1657. doi 10.4155/fmc-2020-0166
- Tauber A.L., Schweiker S.S., Levonis S.M. // Fut. Med. Chem. 2021. Vol. 13. N 06. P. 587. doi 10.4155/fmc-2020-0226
- Андрианов А.М., Корноушенко Ю.В., Карпенко А.Д., Босько И.П., Игнатович Ж.В., Королева Е.В. // Матем. биология и биоинформ. 2020. Т. 15. № 2. С. 396. doi 10.17537/2020.15.396
- Gibbons D.L., Pricl S., Kantarjian H., Cortes J., Quintás-Cardama A. // Cancer. 2012. Vol. 118. N 2. P. 293. doi 10.1002/cncr.26225
- Liu J., Zhang Y., Huang H., Lei X., Tang G., Cao X., Peng J. // Chem. Biol. Drug Design. 2021. Vol. 97. N 3. P. 649. doi 10.1111/cbdd.13801
- 91. He X., Chen X., Zhang H., Xie T., Ye X.Y. // Exp. Opin. Therap. Pat. 2019. Vol. 29. N 2. P. 137. doi 10.1080/13543776.2019.1567713
- 92. *Menet C.J.* // Pharm. Pat. Anal. 2014. Vol. 3. N 4. P. 449. doi 10.4155/ppa.14.23
- Nogueira M., Puig L., Torres T. // Drugs. 2020. Vol. 80. N 4. P. 341. doi 10.1007/s40265-020-01261-8
- 94. Chapman E., Best M.D., Hanson S.R., Wong C.H. // Angew. Chem. Int. Ed. 2004. Vol. 43. N 27. P. 3526. doi 10.1002/anie.20030063.
- Pettersen E.F., Goddard T.D., Huang C.C., Couch G.S., Greenblatt D.M., Meng E.C., Ferrin T.E. // J. Comput. Chem. 2004. Vol. 25. N 13. P. 1605. doi 10.1002/ jcc.20084
- 96. UCSF Chimera. Visualization system for exploratory research and analysis developed by the Resource for Biocomputing, Visualization, and Informatics at the University of California, San Francisco, US. https:// www.rbvi.ucsf.edu/chimera/

ЖУРНАЛ ОБЩЕЙ ХИМИИ том 91 № 11 2021

1672

N,N'-Diphenyldithiomalonodiamide: Structural Features, Acidic Properties and *in silico* Estimation of Biological Activity

A. E. Sinotsko^a, A. V. Bespalov^a, N. V. Pashchevskaya^a, V. V. Dotsenko^{a,b,*}, N. A. Aksenov^b, and I. V. Aksenova^b

> ^a Kuban State University, Krasnodar, 350040 Russia ^b North Caucasus Federal University, Stavropol, 355009 Russia *e-mail: victor dotsenko @mail.ru

Received August 14, 2021; revised August 14, 2021; accepted September 18, 2021

The spectral characteristics of dithiomalondianilide (N,N'-diphenyldithiomalonodiamide) were studied, and the dissociation constant was determined by potentiometric titration. Quantum-chemical methods at the B3LYP-D3BJ/6-311+G (2d,p) level were used to calculate the molecular geometry and vibrational spectra of the most stable tautometric forms of dithiomalonodianilide. The bioavailability parameters were calculated, and possible protein targets were predicted by the protein ligand docking method.

Keywords: methylene active thioamides, dithiomalondianilide, tautomerism, potentiometric determination of the dissociation constant, calculated biological activity